

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100

S1_Clone1 TAA TCAA TGAG TTTTT CAA ATTGCT GTTG TTTCTTTT GTTG TAAG TCTTTGACGAT ACTTTT AATAAAT AAAAT GTCCA TTTT ACT - GCTAAGAATG

S1_Clone4 TAA TCAA TGAG TTTTT CAA ATTGCT GTTG TTTCTTTT GTTG TAAG TCTTTGACGAT ACTTTT AATAAAT AAAAT GTCCA TTTT A - AGCTAAGAATG

S1_Clone5 TAA TCAA TGAG TTTTT CAA ATTGCT GTTG TTTCTTTT GTTG TAAG TCTTTGACGAT ACTTTT AATAAAT AAAAT GTCCA TTTT ACTAGCTAAGAATG

S1_Clone6 TAA TCAA TGAG TTTTT CAA ATTGCT GTTG TTTCTTTT GTTG TAAG TCTTTGACGAT ACTTTT AATAAAT AAAAT GTCCA TTTT ACTAGCTAAGAATG

S1_Clone7 TAA TCAA TGAG TTTTT CAA ATTGCT GTTG TTTCTTTT GTTG TAAG TCTTTGACGAT ACTTTT AATAAAT AAAAT GTCCA TTTT ACTAGCTAAGAATG

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120

S2_Clone24 TGA TTTTGTGTAGTGGTGATATACCC TTTTGTATTAATAAAGCTGTGTAAACCGAATTGACGATATA TTTTAAAGTAAAAGAGCATTTTTT AC-TGCAAGAACGCTCTTTAATAACCATG

S2_Clone28 TGA TTTTGTGTAGTGGTGATATACCC TTTTGTATTAATAAAGCTGTGTAAACCGAATTGACGATATA TTTTAAAGTAAAAGAGCATTTTTTGCAAGAACGCTCTTTAATAACCATG

S2_Clone13 TGA TTTTGTGTAGTGGTGATATACCC TTTTGTATTAATAAAGCTGTGTAAACCGAATTGACGATATA TTTTAAAGTAAAAGAGCATTT.....AGCAAGAACGCTCTTTAATAACCATG

S2_Clone27 TGA TTTTGTGTAGTGGTGATATACCC TTTTGTATTAATAAAGCTGTGTAAACCGAATTGACGATATA TTTTAAAGTAAAAGAGCATTTTTT ACTAGCAAGAACGCTCTTTAATAACCATG

S2_Clone17 TGA TTTTGTGCGATGGTGATATACCC TTTTGTATTAATAAAGCTGTGTAAACCGAATTGACGATATA TTTTAAAGTAAAAGAGCATTTTTT ACTAGCAAGAACGCTCTTTAATAACCATG

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120 130 140 150 160 170 180 190

S3_Clone30 TGA AACTGCACATGTAA TTAAGTAGTTACTCTATGTTATGATACACTTAATGAAGCATAATATAATTTGGGTTTGGG TATTATTAATAAATTAATTAACGGTATTGACGATATTAACAAATAAAAGAAAAGCAATTTAAG...CAAAGATTGCTCAAAATCCC AAAAATAACAGAAAACGTTAAGAGATG

S3_Clone50 TGA AACTGCACATGTAA TTAAGTAGTTACTCTATGTTATGATACACTTAATGAAGCATAATATAATTTGGGTTTGGG TATTATTAATAAATTAATTAACGGTATTGACGATATTAACAAATAAAAGAAAAGCAATTTAA...CTTGGCTCAAAATCCC AAAAATAACAGAAAACGTTAAGAGATG

S3_Clone98 TGA AACTGCACATGTAA TTAAGTAGTTACTCTATGTTATGATACACTTAATGAAGCATAATATAATTTGGGTTTGGG TATTATTAATAAATTAATTAACGGTATTGACGATATTAACAAATAAAAGAAAAGCAATTTAACT-GCAAAGATTGCTCAAAATCCC AAAAATAACAGAAAACGTTAAGAGATG

S3_Clone27 TGA AACTGCACATGTAA TTAAGTAGTTACTCTATGTTATGATACACTTAATGAAGCATAATATAATTTGGGTTTGGG TATTATTAATAAATTAATTAACGGTATTGACGATATTAACAAATAAAAGAAAAGCAATTTAACTAGCAAAGATTGCTCAAAATCCC AAAAATAACAGAAAACGTTAAGAGATG

S3_Clone43 TGA TACACTTAATGAAGCATAATATAATTTGGGTTTGGG TATTATTAATAAATTAATTAACGGTATTGACGATATTAACAAATAAAAGAAAAGCAATTTAACTAGCAAAGATTGCTCAAAATCCC AAAAATAACAGAAAACGTTAAGAGATG

10 20 30 40 50 60 70 80 90

S4_Clone5 TAA GTTGTGTTTAC TTGTAAATTGTTGTGTTTGACGATATG TATTTT CAAAAAGCCAATTTTTT ACT--CTAAGATTGGCTGTTTCAAGATG

S4_Clone11 TAA GTTGTGTTTAC TTGTAAATTGTTGTGTTTGACGATATG TATTTT CAAAAAGCCAATTTTTT ACT--CTAAGATTGGCTGTTTCAAGATG

S4_Clone6 TAA GTTGTGTTTAC TTGTAAATTGTTGTGTTTGACGATATG TATTTT CAAAAAGCCAATTTTTT ACTAGCTAAGATTGGCTGTTTCAAGATG

S4_Clone1 TAA GTTGTGTTTAC TTGTAAATTGTTGTGTTTGACGATATG TATTTT CAAAAAGCCAATTTTTT ACTAGCTAAGATTGGCTGTTTCAAGATG

S4_Clone3 TAA GTTGTGTTTAC TTGTAAATTGTTGTGTTTGACGATATG TATTTT CCAAG-----CTAAGATTGGCTGTTTCAAGATG

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120 130 140 150 160 170

S8_Clone4 TAA TTAATCATCTCAACTACTCATTTATGTTATACTAAATTTGGTGAATGAATCTAAAGATTTCTTGTGTTTTCATTTCTATGTGTTGAATGGGATATTTGGGTTGTGACTTTGATCATTATACAAAAGATAAAAAGCCTTTTTTTACTAGCAAAGATTGGCTATCTACCATG

S8_Clone8 TAA TTAATCATCTCAACTACTCATTTATGTTATACTAAATTTGGTGAATGAATCTAAAGATTTCTTGTGTTTTCATTTCTATGTGTTGAATGGGATATTTGGGTTGTGACTTTGATCATTATACAAAAGATAAAAAGCCTTTTTTTACTAGCAAAGATTGGCTATCTACCATG

S8_Clone10 TAA TTAATCATCTCAACTACTCATTTATGTTATACTAAATTTGGTGAATGAATCTAAAGATTTCTTGTGTTTTCATTTCTATGTGTTGAATGGGATATTTGGGCTGTGACTTTGATCATTATACAAAAGATAAAAAGCCTTTTTTTACTAGCAAAGATTGGCTATCTACCATG

S8_Clone3 TAA TTAATCATCTCAACTACTCATTTATGTTATACTAAATTTGGTGAATGAATCTAAAGATTTCTTGTGTTTTCATTTCTATGTGTTGAATGGGATATTTGGGTTGTGACTTTGATCATTATACAAAAGATAAAAAGCCTTTTTTTACTAGCAAAGATTGGCTATCTACCATG

S8_Clone5 TAA TTAATCATCTCAACTACTCATTTATGTTATACTAAATTTGGTGAATGAATCTAAAGATTTCTTGTGTTTTCATTTCTATGTGTTGAATGGGATATTTGGGTTGTGACTTTGATCATTATACAAAAGATAAAAAGCCTTTTTTTACTAGCAAAGATTGGCTATCTACCATG